

Appendix 1. Primers used by AGRF (Brisbane, Australia) for genotyping five or six single nucleotide polymorphisms (SNPs; rs accession numbers shown) for 28 genes known to cause autosomal recessive retinitis pigmentosa and/or Leber congenital amaurosis. Both forward and reverse primers have a 5' 10mer tag to alter the mass and is non-binding to the template DNA. Some iPlex extension primers contain 5' tags to alter the mass of the probe, which are non-binding to the template DNA and are represented by lower case nucleotides. Abbreviations: Tm, primer melting temperature.

Gene	SNP ID	PCR Forward Primer	PCR Reverse Primer	iPlex Extension Primer	Amplicon Length	iPlex Tm
ABCA4	rs3789687	ACGTTGGATGTCTTCCACATTAAGCTCTC	ACGTTGGATGTCCCAACAGGGTTAAGATAC	gggaAACAGGGTTAAGATACATATAC	102	45.1
	rs6657063	ACGTTGGATGTTCTATTCTTCTTCTGC	ACGTTGGATGTAGACAAAGTGTACCAGAG	ATTCATTCTTCTTGCATTCTA	80	45.6
	rs1209515	ACGTTGGATGAGTACTGCATTCTCAGCAGG	ACGTTGGATGAGCTTGTCTCGAGGGAGAG	gCTCAGCAGGGAGGATTA	99	47.6
	rs952499	ACGTTGGATGGAGAAGAGATGGAAAAACAC	ACGTTGGATGAGCAAAGGGCCTCTCAAAAG	ACAAAAAGCATTTTGCTCTTAT	100	48
	rs1007347	ACGTTGGATGTATAGGAGTGAGCTCAGGTG	ACGTTGGATGATCTGTTCCTTAAAGCCTGC	cctccAAGCCTGCAGTACATCAATA	99	49.6
	rs4847264	ACGTTGGATGGGTGACTGACTACAAAAGG	ACGTTGGATGCTGAACCAGGAATCCTCTTC	GACTACAAAAGGAAAAGAGA	100	45.2
AIPL1	rs356045	ACGTTGGATGTCAGAAAAGGTCAATGGTGC	ACGTTGGATGCACCTTGTCTAGAGTCTGTC	gggaAATGGTGCATGAGTGAC	100	47.4
	rs165106	ACGTTGGATGAAACAGTGAACAGACGAAGG	ACGTTGGATGGCTCCACACTCCATACTTAC	ATACTTACCCATCCTGTGG	94	48.7
	rs875632	ACGTTGGATGAAGCATGACCAATGTTGCAC	ACGTTGGATGTCAGTAAAGCACTGCCCTTC	ccccctCCCTTCATTCATGAGCA	100	46.7
	rs907941	ACGTTGGATGTATAGGAGTGAGCTCAGGTG	ACGTTGGATGTGGCCTTTGGCTCAGAGGAT	GGTGGAAGGGCCAGA	100	51
	rs907946	ACGTTGGATGAGGAAAGGCGAGATTCTTTG	ACGTTGGATGGGCCTAATTACAATTGCTCC	cccgTTGTTCATCAGATTCTCGCACT	100	52.7
	rs4261594	ACGTTGGATGGCACATACTACATTGCAGAC	ACGTTGGATGGATGTAGGCAGAAGGCCAG	agaaTTCAGCATACTCAGCAAAGT	100	50.1
CEP290	rs2216153	ACGTTGGATGCTAAGAAACAAGCAATGAACG	ACGTTGGATGCTTCGTATTACCACACATGC	ggggACATGCTGTTTCTTTAAGGA	96	48.5
	rs12316831	ACGTTGGATGCCACCATCTGGAGACATTTT	ACGTTGGATGGTTGTATGCTGACTTTTT	GCTGACTTTTCAATTGTTACC	105	48.1
	rs12318967	ACGTTGGATGCATTTTGCAAAACAACATGGG	ACGTTGGATGCCACATATCAGAGATTAACC	tgCCCAACAAAAGTAGGGTC	95	47.8
	rs2471534	ACGTTGGATGGAAGGGTAAAAGTCAAGTCC	ACGTTGGATGCTGTGGTCAGAAAACCTCAGC	AGCTAGTTCATCTCTTGCT	99	51.1
	rs2471503	ACGTTGGATGAGGAAAAGGAAGGAATGTGG	ACGTTGGATGGATGTGAACATACGAAGTTG	ttcTTTAAACGAACACTCTCATG	96	46.1
	rs2468243	ACGTTGGATGCACCCATCTAAACAGCCCC	ACGTTGGATGACACGTTATCTATGTCAGGC	TCCTGACTACTGGGACA	97	50.5
CERKL	rs2696344	ACGTTGGATGTATGCTCGCTTATCTCTCCC	ACGTTGGATGTTGGCAGAATATTGTAAGGC	AAGGCTAATTGGCTTCTCTTAA	100	50.3
	rs1449255	ACGTTGGATGCTCCTAAGATTTTGGAGTTG	ACGTTGGATGGTTGGGTTTAGAAATGCAC	TTAATGAATTACATATGTTTCTATGA	105	45.2
	rs1047307	ACGTTGGATGTGGGTTCCAGGAGGTTTTGTG	ACGTTGGATGTGCAGTGATGGTGAGGAATG	CAAATGCCTTCGCAAT	100	46.6
	rs1349197	ACGTTGGATGCCTCTTAGGTTACTTTAGTAG	ACGTTGGATGAAGGGTACTCAACAAAACAG	ACTCAACAAAACAGACTTCT	100	47.6
	rs155107	ACGTTGGATGATACATGCTTCCAGTGAACC	ACGTTGGATGTCCAGAACAGTAATACTTG	cctaCAGTGAACCTTCTTAAACGTAA	91	48.8
	rs720453	ACGTTGGATGGAAGCCAAGAAGTAAAGTGC	ACGTTGGATGGGAATAATTTCCAAGCACTC	AGAAGTAAGTGTCTGGTATC	97	46.3
CNGA1	rs4695356	ACGTTGGATGCACACTATCCTTCTGTGCC	ACGTTGGATGCAGTCCCACAATCTTTTCCAG	acgtaCTGTTCCATCCCCCTTCTGTGC	99	55.5
	rs3792621	ACGTTGGATGCTGAGGTGGTGTATTGATGC	ACGTTGGATGGACATGAAGAGAGGAACAGC	gcaacGCTTGTGTGCTATTGTTTT	95	48.6
	rs2279965	ACGTTGGATGAGAGTGTGAAAGTGTCCCTG	ACGTTGGATGTTCCAGAGTCCACGTAAAAC	ggAAAACAAATACAATTGAGACTT	98	45
	rs13150783	ACGTTGGATGCCTGGATCTCGTTAAGCTAC	ACGTTGGATGCCATGAAGTTAGATATCCC	ATCTCGTTAAGCTACTGAGATAC	99	49.5
	rs1371729	ACGTTGGATGGAAGAAAAGGTGCCATCCTC	ACGTTGGATGCTATACAGGCATAGAGAACC	tCCATCCTCTAGGATACTGTATAT	99	48.2
	rs2271036	ACGTTGGATGAACTGCAGCGTCAGTAAGTG	ACGTTGGATGTCCTTTTGTCCCAAGGAGAG	cccggCCACCACCCAGAAC	97	49.1
CNGB1	rs2060573	ACGTTGGATGAGCCCGAAAGGACTAGTCAG	ACGTTGGATGGGTTTAAAGCTACTTGATGG	GGACTGAGATGTGTGAAC	90	47.5
	rs691483	ACGTTGGATGCCCTGGCACCATTATACAAG	ACGTTGGATGGGTTGTGGAGTTCACTCCAG	GTGCAGAACCCAAGG	98	46.9
	rs690746	ACGTTGGATGTACAGCGTATTTGCACACCC	ACGTTGGATGGAGGTTACTGGTGTGAACAAG	TCCTTTCTGCATCCAAA	96	46.2
	rs419828	ACGTTGGATGGCACACTGGCTTCTTATTT	ACGTTGGATGGGTACAATACAGTTCCTCGG	gaaggTCCTCGGTGACGGCGGCCA	95	64.3
	rs2965777	ACGTTGGATGAATTGGACCATCAGGGTCGT	ACGTTGGATGAGGAAAGGCATCCAGAGAC	acatGGTCGTCTTCGAGATTCTTTCCA	95	54.8
	rs2923140	ACGTTGGATGGCTTGATGTGATGTGCTTGG	ACGTTGGATGGAGATGAGGATGCTGAGAAC	ccctCACAGCAGTGTAGACC	96	46.3
CRB1	rs2298882	ACGTTGGATGACTCTAGCTCTCTCAACCAC	ACGTTGGATGGTGTGAGTGAATACAGACTGATG	AATACAGACTGATGACATTC	117	46.3
	rs1337005	ACGTTGGATGGTTCTGAAGTCTATCACTCTC	ACGTTGGATGAACTGTCTTGCTACAGATCC	tgataTCTTCTTACCTGGAGATACAAC	89	50.9
	rs2759662	ACGTTGGATGAAGATGAAAATTATGGAAC	ACGTTGGATGCAGCTGGAATAAGTCTTGTG	TATGGAACAAATTATCTGAGTTA	101	46.3
	rs927510	ACGTTGGATGGGGCACAGAAATTATTCAC	ACGTTGGATGACCAACTTTAAACACCTCCC	CCTCCAGTCTCAGAAA	96	47.8
	rs10801609	ACGTTGGATGTGTTATGCTTACAGCATGG	ACGTTGGATGCATCTCTTCACTTCAACATCC	atagTCACAGCATGGAAGGCAGTAGTA	94	56.2
	rs1421399	ACGTTGGATGTCTCAGGAGCTATCATTGAC	ACGTTGGATGACAATGCCACAAGCCATTCC	tcaAAACCAAATCATAAATATGCAG	100	45.6

CRX	rs2334293	ACGTTGGATGGCTACCGTAAGCTGACTAAC	ACGTTGGATGTGGCTCCAAGGAAAAGGTG	aGTAAGCTGACTAACAATGAATAAC	99	48
	rs3786777	ACGTTGGATGTACATTGTGGAACAAGTGGC	ACGTTGGATGAAATCAGACTCAGAAGGTGC	tgagGGTGCTGGAAAGTAGTTC	100	47.8
	rs3745752	ACGTTGGATGAAGAGGGGAAAAACGACTCGC	ACGTTGGATGTCTGTGGCTCATGCCTGAC	CGCACACCTCCTTGT	88	48.9
	rs2547241	ACGTTGGATGTATCAGCAGCACCATAGGTC	ACGTTGGATGTTGAGGCAGAGTGTGATGC	CACCATAGGTCACCC	100	48.7
	rs891014	ACGTTGGATGGAATATCCAACCCCTTCCAC	ACGTTGGATGATGCTAGGCCTTCCAAGCAG	GGGCATCCCACATTC	100	46.7
GUCY2D	rs1366442	ACGTTGGATGGTATTCGAGGCCATAAGAC	ACGTTGGATGTACAAGGCACACAGGACTTC	ccggaACACAGGACTTCAGCTGTGTCTG	95	57.2
	rs839721	ACGTTGGATGCGAATGAGAGTGATATGCGG	ACGTTGGATGATTAGGACTCCGCACTAAG	aGCGGCCAGTTGATCC	90	50.3
	rs4130668	ACGTTGGATGTCCTTTGGGGCTGTCTGTC	ACGTTGGATGCGGCGAGAGGAAGAGTTATA	ttTAACCCGGGAGAAGCG	96	47.8
	rs11078716	ACGTTGGATGACTGCTTAACTCTCAGCTGG	ACGTTGGATGTTCCAGCATTCTAAAGCC	AAGGAGGGACCTAGAT	98	45
	rs4792002	ACGTTGGATGGTAAGCGTGAAGACTATAGC	ACGTTGGATGCAGGTTGCATTTGTAGGATTC	aaatcTGTCTGCTGGCTGGAG	100	51.6
LCA5	rs2289588	ACGTTGGATGTGCTTTGTCGGGCTGGTTAG	ACGTTGGATGATCTCCTATCCTGACCCACT	gagcGACCACAAATCTTGGTG	92	45.4
	rs3027213	ACGTTGGATGTATGCATCTCTCCACGTGCC	ACGTTGGATGCGCTCTCCAAACATGATCAG	CCAGCCCCCTTCTACC	97	51.4
	rs9448745	ACGTTGGATGCTTTAAGAACATATGGTAG	ACGTTGGATGTAATGATAGCAGCATGGCAC	cccTCAGATATTCACTTGGCT	97	45.6
	rs2655688	ACGTTGGATGAACTCCATGGCTGGTCAAAC	ACGTTGGATGAGGAACTGGAACCCATATC	GAATAAATCTGACTGTCTACTG	98	46.9
	rs2803204	ACGTTGGATGTACTTGAGAAAGGGTTCTGC	ACGTTGGATGCTGGATTTGTTAAATGGCATC	TTAATCCCCACCCA	97	46.3
LRAT	rs9352745	ACGTTGGATGCACAGACCTTGTACTACTG	ACGTTGGATGCTGTCTCACGGGCTTATAT	ccctACGGGTCTTATTTACTAGGA	99	48.1
	rs2655668	ACGTTGGATGAGGCTACCAACTGTAACAAC	ACGTTGGATGTTACTTTGTCCACTGCTGGG	ctcccTTTCAGAGAACTTTACATTTG	99	45.3
	rs1485376	ACGTTGGATGCAGCATTTAATTCTGCAGAT	ACGTTGGATGAACCCAGAACAGATCCAAG	ggggcGTAGGTATCTTGGGAAAAC	97	45.1
	rs6811815	ACGTTGGATGCAGACAAGAGGCCTCAATTA	ACGTTGGATGTGCTCAAGATTTTGTCCCC	ATGAAACACTGTCCTGAAT	98	47
	rs1049636	ACGTTGGATGCTCACTTTACCCCTGAGGATG	ACGTTGGATGTTTCTGAAACTTTGTGGGTC	AACTTTGTGGGTCAATAGAA	91	47.5
MERTK	rs6536024	ACGTTGGATGCAGATAATACAGAATGAGTGG	ACGTTGGATGCTAGACAGCCTACCCATTTT	cctTAATCATTTAACACATTTTCATGTT	96	46.9
	rs201825	ACGTTGGATGCAACTCTGAAGCACCAACAC	ACGTTGGATGAAAATTTCCAGTAAGAGGGC	ggggCAACACAAAGAATAAGGGA	85	45.3
	rs11099969	ACGTTGGATGCTAAAAGTTGGGTTTATTAC	ACGTTGGATGATCAGAGAAATGGCTAAAGG	agagGGGTTTACTTACTTGAATCA	97	46.3
	rs13016143	ACGTTGGATGTTCCCTCAATCTCAAGTGC	ACGTTGGATGTGCTTAGAGGGGTCTCAAG	gagcgTCAAGTGCTAGACTTTGTATT	94	47.4
	rs1996328	ACGTTGGATGGTAACCTCCTGAAGGCTGG	ACGTTGGATGTGTTTGTGTCATGTGACTCC	cGCATCATCTGAACCCA	97	46.1
NR2E3	rs6722814	ACGTTGGATGTCCATTCTCCAGTTCTCTC	ACGTTGGATGAGAGTTAAGGGCGAGTTACC	TGAGGGGTAAGTCTGAA	99	46.7
	rs10182333	ACGTTGGATGGGATTGACAGCACACTCATC	ACGTTGGATGATGAGCTCTCCGAAAGAGTG	TGTGATGATAAACCCCTTCTT	100	49.7
	rs12618637	ACGTTGGATGGAGACCGAAGCACTTGTCT	ACGTTGGATGGAAGTTCCGGGTACAGAGTC	GCCTCTGCAGCAGCT	99	52.4
	rs2254860	ACGTTGGATGAGAAGCAGTCAACAGTTGTCC	ACGTTGGATGCAAGTGAACAAACCATAGCTTATC	ACGGACAGGATTTTTTC	100	47.2
	rs920548	ACGTTGGATGACACAAGTAGACCCCTGCTCA	ACGTTGGATGGCAAAGCCACAAAGTGAAG	aaaccGCCCTTTTGCCTAC	98	47
NRL	rs1866918	ACGTTGGATGGGCTTTTCCAAGTGATGAAC	ACGTTGGATGGGTAAGTTTGTCTTGTCTCGG	gaatAAAGGTTTCCATTTGAAGTCCAT	100	51.6
	rs9635374	ACGTTGGATGCCATAAAGTCAAGACACCTC	ACGTTGGATGCTTTTCTGGCCTTTTTCGAC	gCATTCTCACTGCTCAAAC	97	46
	rs2625529	ACGTTGGATGGTCCCTGCCTCTTTTCTAAGC	ACGTTGGATGAGGCTTTTCTGCTTCTGCAGG	GGAGGCCACAGGAATTCA	97	51.8
	rs9302260	ACGTTGGATGCCATATATCCACCTGGATG	ACGTTGGATGGCCTGAGAGTTTTTAGCTAC	TCCACCTTGATGTATATC	95	46
	rs1481861	ACGTTGGATGATTCTTTTGGCCTTCACTCC	ACGTTGGATGCTGGCAATTGCTGATCCTTC	TCATCTTGCTGATGCAC	100	47.4
PDE6A	rs2277483	ACGTTGGATGGCTCATTGTTCACTTTTGTGG	ACGTTGGATGGGCTACAGTTAAGGAAATGC	ggGCTTTGAAGATTTTAGTAAGATA	97	47.1
	rs2071586	ACGTTGGATGAGAGAGGACGTGCTGTGTG	ACGTTGGATGTGCTGCAGCAGAACACAAAG	aaaaCATTCTCCCTCTCCT	96	46.7
	rs3561	ACGTTGGATGGCTGGTCATTTTCTGGAGAG	ACGTTGGATGTCAGCGTGCTAGTCATGTGG	GTCATGTGGGCTGGGTTT	94	50
	rs743271	ACGTTGGATGGAGTGAGAGAAAAAGAGCTG	ACGTTGGATGGCTTCCACACTCATTGTTG	CAGGGAGGGTCCCTTC	99	47.6
	rs10146843	ACGTTGGATGCACAGAGGAGCACTAGGAC	ACGTTGGATGATCAGCTTGCATAGCCCATC	CCCCAGGGCCTTCAG	100	51.9
PDE6B	rs1157625	ACGTTGGATGGGTAAGTTCTAGTACAGAG	ACGTTGGATGAATCCTGTGAGGGTGAATCC	cccTTAATTCATTCAACAAAAGTATGT	100	45.8
	rs216150	ACGTTGGATGAGTAAACGCTATTAGGGCAG	ACGTTGGATGCTTTAGTGGGTGCCTACTG	gggTACTGTATGCCAACATGAG	100	47.1
	rs216140	ACGTTGGATGGGGAGTACCATGCTAAGGG	ACGTTGGATGTTTCCCTCAACTTGGTCT	CATGCTAAGGGTTGCCCA	83	53
	rs9686746	ACGTTGGATGTCAATTTGAGACCTGTTTCGC	ACGTTGGATGGGAGATTGAAGTGGATAG	CGCATTTGGTCAAGAAAGG	93	49.2
	rs11948274	ACGTTGGATGGAGTTGAAGGGAGAATAGAC	ACGTTGGATGGGCAATGGTTCTCCACTCAG	cttaTCCACTCAGGAGACTTTC	95	48.3
PDE6B	rs30825	ACGTTGGATGATCCCGTCAACCCAGATAAAC	ACGTTGGATGACTTGAGGCAGCTTCTCATC	ggaggTCTCAGGGTTGTCTGTTAC	90	49
	rs17110237	ACGTTGGATGAAATGGAGAGCTGAGGTCTG	ACGTTGGATGCAGGCCTGGAGTTCCTTATG	GGTCTGTGAAGAGAGGTG	89	49.3
	rs1045887	ACGTTGGATGAAATTGTTGCTGCGTCAGAG	ACGTTGGATGGTCTATGAATAATGCCACC	GCTGCGTCAGAGATATGAGAAA	83	52.8

	rs1135945	ACGTTGGATGCTCTCCTGCTATTGAATTAG	ACGTTGGATGTGAGGACTCAATTATTGCCG	ccctAATTAGTACCTAGCTGCAC	100	46.8
	rs1127410	ACGTTGGATGTCATGCTTGCTTCTGCTACG	ACGTTGGATGGATAACGCAGAGATGTCACC	atggCACCAAAACGATGTACGTG	100	49.4
	rs10031745	ACGTTGGATGTGTAGGTACATTGTGGTAAAG	ACGTTGGATGGACTACTCTAAGCCCTCTTC	gggACATTGTGGTAAGATAGCC	98	47.2
	rs7336	ACGTTGGATGCTGAATTCACCTTAGTTAG	ACGTTGGATGGGAAGGATTCAATAAAAGTC	GGTTTCATGATAAGCCTCAA	102	48.3
	rs34006598	ACGTTGGATGTGAACCACCGGAGTCACTG	ACGTTGGATGCAAGGCAGGACTCACCCAT	GCTCGGCTCTGCCAC	99	53.1
PRCD	rs4315367	ACGTTGGATGTTGCAGGAGAAGGAAGTGGG	ACGTTGGATGCACCTTGGTTCCAACATATGGG	gggGACATTTTCTGAGTGTG	103	45.7
	rs4647879	ACGTTGGATGTTTTCCACCTGAGACCCTC	ACGTTGGATGAGCTGAGAACTCCCCAGG	ggggaGAAACTCCCCAGGGCTGGCTG	103	61.9
	rs4648343	ACGTTGGATGACTCAAATTCAGAATGC	ACGTTGGATGTAGTGGCCCCAAATCACACG	CACACGGGC AAAGAC	97	47.6
	rs2120886	ACGTTGGATGGCTCTAGGATGTCCCATAAA	ACGTTGGATGCAAACTGCCCTTGTGAAAGC	AGCCAAAGTCTCAACATAC	99	50.4
	rs2590260	ACGTTGGATGCAGGAAATTATGGAACATATGG	ACGTTGGATGGGATCATTGTCTTCAGCCTC	tgTGACATCTCTGTAGTTAGC	99	46.1
RD3	rs784838	ACGTTGGATGAGTGGCCAAACCCTGGGTCT	ACGTTGGATGGGCTCTGTAGTGTGGACTG	GCTCTGTAGTGTGGACTGTGGGCT	90	50.4
	rs10863904	ACGTTGGATGGATTA AAAAGGACCTGTGGG	ACGTTGGATGTTCCCTGGTTTTCTTCAAGGAC	cccttGTTTTCTCAAGGACTACTTTC	94	46.6
	rs11119750	ACGTTGGATGCACCTTCCCTGGAGTGTGTTG	ACGTTGGATGACCATTCACTCTTTTGGTGC	tcTGGTGCTAAGCATCAA	95	45.6
	rs10449313	ACGTTGGATGGGCAAATTTGCTTAGCTCCTG	ACGTTGGATGTGACCTCCACACTAACTCTG	CTCTGGAGGTAGATGAG	98	47.8
	rs1055565	ACGTTGGATGCTACTTATTGTCTGCAGAGG	ACGTTGGATGTGGCCGCTTACACCAAAC	actaGCCGCTTACACCAAACGCTGAG	100	61
	rs784379	ACGTTGGATGGTCTTCTGGGTTGGATCCAT	ACGTTGGATGTGACTCTAACAGTCAAGGC	cACACTAAGAGACAGGAAGA	100	47.4
RDH12	rs749271	ACGTTGGATGGAGCACCTTAAAGAGGAATC	ACGTTGGATGTCAGTTGGGTGCTTACGTG	attcgCTTCTTGCAGCAGTCCTC	96	53.3
	rs2295644	ACGTTGGATGGGGAATGTAATAACAGGAG	ACGTTGGATGACGATATCCGCTGCTGGAC	atgCGGGACAGCTCTTTAAATGACC	92	49
	rs2057119	ACGTTGGATGTCCCACAAACCATCACCTC	ACGTTGGATGGGAGCTACATACAGTAAGGG	ggACCTCCCTCCTCAGA	99	47.6
	rs718212	ACGTTGGATGATGAGCAACTAGAGTCTGGG	ACGTTGGATGACAGGGCTGGATTCTGTCAT	tcGCCAGGGTGAAATCT	99	48.9
	rs181563	ACGTTGGATGGTCTTGCCTGTTACAGTTTA	ACGTTGGATGGTTTCTACTGATCTTTCATC	TCTTTCATCTTTTGTATCC	99	45.9
	rs1015023	ACGTTGGATGATGCTTCTGAGCATAGGAGG	ACGTTGGATGTGGGTACATACCATTGCTAC	ctaaATCATTTCCAAAGTGAT	93	45.4
RGR	rs4399275	ACGTTGGATGTGAGGTTGAAGTTTACCCCG	ACGTTGGATGACCTAGCACACCAGGAAAG	GGGATGTGGGAGGTG	98	48.4
	rs4933989	ACGTTGGATGGCATGGGCACAAATCCATTC	ACGTTGGATGTATCGTGAAGTGTGTCCCTG	tgccgGGGAGGAGCTGGGCT	101	53.8
	rs2279228	ACGTTGGATGTTAAAGGGCCATCCCATGTG	ACGTTGGATGGGAGGCATCCAGAAACAGC	gggtGAGGCACATGCAGGTTATTATG	96	52
	rs6585855	ACGTTGGATGGAGAGAAGTAGAATGCTGGG	ACGTTGGATGTGCCTGGTATTGAAAAGCCC	gggaAACAGAAAACACTTGCTCAGA	96	50.8
	rs10788340	ACGTTGGATGCAGTTCAATTGTTCTGTAAC	ACGTTGGATGCTAACAGTTAATCCAGATGC	TGTAAC TAATCACAAAATAGCTTT	97	47.2
RHO	rs4073154	ACGTTGGATGAATAGCGCGGGCCCCAGAG	ACGTTGGATGTCGGGTGCCCGTGGCGTTC	tgGCTTGGCCGGCCGCA	98	60.1
	rs6439168	ACGTTGGATGCAAGGAAACAAGTCAAGGTG	ACGTTGGATGATGAGCCTTCTGAAGCCATGAT	gacgTGATTTTGCCTCATGTGATTTTT	97	50
	rs2005618	ACGTTGGATGAGAAAGCCAGTCTTGACC	ACGTTGGATGTTGCCAATTCCTAACCACTC	cccGTTCTTGACCTCAAGGACATGAC	99	53.6
	rs2245285	ACGTTGGATGGTGCTTATACTCCAGGAAGG	ACGTTGGATGGAGCTGCAGACAGACATGAC	CGGTTCAGCTCCTTGGT	98	52.2
	rs1108584	ACGTTGGATGGCTCAAGGGATTCTCGCCA	ACGTTGGATGTTTGGAAACCCAGCCTCTCG	ggaagGCCAGGGCCAGGGTTCTTC	95	60.9
	rs2811343	ACGTTGGATGCTCTATAAAATTGCTGACAGT	ACGTTGGATGAAGGGTGTCCCTGTACAAC	AGACTATTGAATTTCTTTTGTGC	97	45.4
RLBP1	rs758130	ACGTTGGATGAGACCTACGTGCAGGTATT	ACGTTGGATGAGATGCAGACTAGTGAACG	caggGAACGCTGGCCCTAGCAAACACCT	99	62
	rs1138465	ACGTTGGATGAGACAGAAGCCAGCACTGAC	ACGTTGGATGAGGAAACATCCTAGACATGG	aaagtACCTCTTCAATTTTCATCTTC	95	45.6
	rs7178662	ACGTTGGATGCAAACCTTCAAACCTTAGGGG	ACGTTGGATGGAGTCACTTGTAGTTCTATG	gggtcGGTTCTATGAGATTATCTCAGG	82	47.5
	rs2238315	ACGTTGGATGGGACTTTAAAGGATGGGCTG	ACGTTGGATGACACTACTTACTGCCCTTTC	CTTGCTGAGAATACTCTCCC	96	48.8
	rs4327024	ACGTTGGATGTCAGCTGTGGGTGTGAATAC	ACGTTGGATGCAGGTATACCTGCTTTGTGC	ggagGAACTCAGGGCACCCA	100	51.6
	rs16942741	ACGTTGGATGAACACCTTGGCCCTTTCATC	ACGTTGGATGAGATGAGCCTATTAATGGGTG	gaacAATGGCAGCAACATATTC	93	45.9
RP1	rs9643828	ACGTTGGATGCTTCTATAGACATCTAGGC	ACGTTGGATGCTGTGGTAGTCACAGCATTG	gcccAGCAGCTGTCTTCTTCTTTA	97	49.4
	rs429668	ACGTTGGATGTCATACTAATCATTTCCCC	ACGTTGGATGATGGAAGGCAGAGAAGTTAG	ATCCAAAGGAAGAGGCAGCAAA	100	46.1
	rs2293869	ACGTTGGATGACTAAAATTGCCGGTTTGAC	ACGTTGGATGCTTCCACCAGTGTCAATTGGC	aTTATCTCCCTCTTTACATAGAT	100	45.8
	rs423841	ACGTTGGATGAAGGCACAAGCTACTAATAG	ACGTTGGATGCTCCTCTGACTAGGGTTTTG	ctcatCATGAAGCTTAAGATTATCCAA	98	49.4
	rs446222	ACGTTGGATGCTACAGTCTTGGATCTTTC	ACGTTGGATGAGAAGTGCACAGCACAAACG	ccctcGCACAGCACAAACAGGATAAC	99	52.1
	rs9774102	ACGTTGGATGCTAAAATACTTCTAGGAGC	ACGTTGGATGGGGAACCAATTTTTGCCGAG	tGAAAATGTCTAAAGAATAATTTTG	99	45.6
RPE65	rs872850	ACGTTGGATGATAGGTCTTACCTCTTTGTC	ACGTTGGATGACACACCCAGAGAGTTTTC	cgCTTCAGTGGCCAAGAT	100	46
	rs3762283	ACGTTGGATGCTATTTTCTACCAGGACCAAG	ACGTTGGATGGTAGATTGTTCTGTTTACC	gggCCAGTGGGTAGGAATTTTCAA	87	51.3
	rs2012235	ACGTTGGATGTGCTGACTTGACTCACCTTC	ACGTTGGATGCCAACCTTTATCCCACTC	ATCACACTTTGGGAAA	99	45.1

	rs2772280	ACGTTGGATGTGAGAAGAGAACTCCTCCGC	ACGTTGGATGTAGAGAGACACTTCACACCC	AACTGACTTTTTAAGTGGCA	98	48.3
	rs1036066	ACGTTGGATGCAGCTAGTTATACTTCCCC	ACGTTGGATGCAATCAGGTGGGAAGTGTAG	acaaTTCAAACAATGTCAAAAAAATC	93	48
	rs944082	ACGTTGGATGGAAGTAATGAAAGGCCTGTG	ACGTTGGATGCAGAAACATAGGTGGCAGGG	ggacTGAAGGCCTGTGGCTAACATCCA	100	59.2
RPGRIP1	rs716598	ACGTTGGATGCCAGCTTATAGCCTGTTC	ACGTTGGATGCCCAACAACACTGTGTCAA	gaACAAATCTAAAAGTGAACACA	100	46.2
	rs4982420	ACGTTGGATGTCTATCTGAAATGGAAGTTC	ACGTTGGATGAGGTAAGGTATATCTTCC	TGGTAGTGTAGAACATTTTCATC	98	48.1
	rs1957413	ACGTTGGATGCAATTTGTACTTGTTTAC	ACGTTGGATGTGATTGCAGTCACAGACTAC	TGGCAAGCTAGGGCAG	97	52.1
	rs1061031	ACGTTGGATGTGGCATTAGGGGAGACAAAG	ACGTTGGATGGAGCCTTTAGCCACAAGAAG	AAACAAGTAATACCCAAGTGTAG	100	48.8
	rs1263811	ACGTTGGATGTGCCACGGATCCCACCTG	ACGTTGGATGTGTGGCAGCGACCAGGAAAT	gggatAGAGGAGAGGAGAGGGAGTCT	94	53.5
SAG	rs2289474	ACGTTGGATGCCCATTAAGCAGAGGTGAAC	ACGTTGGATGTTACCCCTTTTCTGGGACAC	gagcGGTGAAGTGAAGAAAGACT	100	46.4
	rs11893210	ACGTTGGATGATTCACCTTGTGGTGGCTCAG	ACGTTGGATGGTTTCTGATAAGGGTGGTC	tGCTCAGATTCCTGACAC	95	47
	rs2241873	ACGTTGGATGCCCTTTTGGTAAGATTAAC	ACGTTGGATGGGGAACAGGTTTCCACTTTC	TTGGTAAGATTAACAATGGAAGAAA	90	50.5
	rs11679046	ACGTTGGATGTGCATCTGTCCCAAAAAC	ACGTTGGATGGTAGTGTCCCTTGGTATCAG	ccccgGGTATCAGGAGGCAGGAAGTCTA	99	55.6
	rs2242102	ACGTTGGATGAAAGGTGGCATTGGACAGC	ACGTTGGATGAGCCGGTCTCCATGTGTGA	TGGACAGCTTGTGAAT	97	45.5
TULP1	rs2766543	ACGTTGGATGAAGCAGAGCTGCCAATAAG	ACGTTGGATGGGTTTCTATTCTGTGGTTGG	tCCAATAAGGATGAATCTCTC	92	48
	rs1360780	ACGTTGGATGTGCCAGCAGTAGCAAGTAAG	ACGTTGGATGAAGAGATCCAGGCACAGAAG	gggtAAGGCTTTCACATAAGCAAAGTTA	96	51.8
	rs9296158	ACGTTGGATGTCTATGATTCTATGACCTGG	ACGTTGGATGGATTTGAAGCTGGTTTCTGG	gCTGGTAATCACTCTCAATATCA	87	47.8
	rs2064317	ACGTTGGATGAAGGCGCGAGGAAGGAGGAA	ACGTTGGATGGGCTTTGCCCTTTTGATTGC	AGGCAGCTACGGTGA	97	50
	rs2076170	ACGTTGGATGAAGTATTCGCCACACCAC	ACGTTGGATGCTGCATCCTCATGGCTTGTG	tcccGCCAAGGATCCATC	100	46
	rs2395626	ACGTTGGATGAGTCATCTGTCCAGCTCTTG	ACGTTGGATGGAAGGAAACACTACCTTAC	AAACACTACCTTCACCTTTTAG	93	48.6
USH2A	rs7519402	ACGTTGGATGCTTCTGCCTTCATTTTCTCC	ACGTTGGATGTTGTTTCACTTACGAAGGAC	atacCCAGATCTTTAGCACAGAAA	100	47.9
	rs4253963	ACGTTGGATGAGTTTGAACACAATCTGCCC	ACGTTGGATGCTCTCTTTCCGGTTGCTTC	TAAGGTGTGTTATAGAAAAGAC	90	45.8
	rs2669053	ACGTTGGATGCTCACCAGGCACACATGTAT	ACGTTGGATGAGATGTTGAGACGAATGCAG	tACCCAAACAATAACATCAG	96	47.9
	rs2034960	ACGTTGGATGGCAATGGGTGGAATGCACA	ACGTTGGATGGGGCCCTTTAAATCCTTG	TGGAATGCACAAATTTCTC	101	47.4
	rs301760	ACGTTGGATGGCTAGTGGAGTGAATAAGG	ACGTTGGATGTCCACCTTTAAATGGAAGAG	aaagAAGGAAAAACTGCATACGAACC	93	52
	rs1544299	ACGTTGGATGGTTCTACATCAGAAATC	ACGTTGGATGGTGGTGTGCTGCTGAGG	tggCATGCTGAGGCTGTAGGTAA	97	52.2